

# Obtaining the Tensor program

---

The Tensor program is available from this web page. However, before downloading the program, please read the conditions for its use.

---

## **TENSOR program Version 2.0 Jan 2001**

**Copyright © 2001 CEA/CNRS. All Rights Reserved. Laboratoire de Résonance Magnétique Nucléaire IBS 2001**

TENSOR has been developed for treating solution state  $^{15}\text{N}$  relaxation for the study of molecular dynamics. The program allows the determination of internal mobility parameters using the model-free approach from Lipari and Szabo, either in the case of isotropic or anisotropic overall molecular diffusion.

The Tensor program is copyrighted and was developed by Patrice Dosset and Martin Blackledge at the Laboratoire de Résonance Magnétique Nucléaire in the Institut de Biologie Structurale - Jean-Pierre Ebel ([CEA](#) - [CNRS](#)) at Grenoble, France. The license is free for academic sites and non commercial use .

The use of the program is subject to the following conditions:

1. The use of the program is restricted to the individual, laboratory or organization to which it is supplied. This individual, laboratory or organization can make unlimited copies of the program for backup purposes or for running the program on more than one computer system at the host institution.
2. Neither the program nor any part of it may be sold, nor any copies distributed to third parties without the express permission of the authors at the Institut de Biologie Structurale.
3. Users may not decompile, disassemble, reverse engineer or modify the program in any way.
4. No software package can be considered to be bug free. The authors of the TENSOR program accept no responsibility whatsoever for damages resulting, directly or indirectly, from the downloading and the use of the program and make no warranty, either express or implied, including but not limited to, any implied warranty of fitness for particular purpose. The TENSOR program is provided as it is and its users shall assume any loss, risk and damage when using it.
5. If any results obtained with the TENSOR program are published, whatever the means of publication, particularly in the scientific literature, the program should be referenced in the following way:

**Efficient analysis of Macromolecular Rotational Diffusion from Heteronuclear Relaxation Data**

**Dosset, P.; Hus, J-C; Blackledge, M.; Marion, D. J. *Biomol.NMR.* 16:23-28, January 2000.**

## **Programme TENSOR Version 2.0 Jan 2001**

### **Droits de reproduction et de diffusion réservés. © CEA/CNRS. Laboratoire de Résonance Magnétique Nucléaire IBS 2001**

Le programme TENSOR est sous copyright et a été développé par Patrice Dosset et Martin Blackledge au Laboratoire de Résonance Magnétique Nucléaire à l'Institut de Biologie Structurale - Jean-Pierre Ebel à Grenoble ([CEA](#) - [CNRS](#)). La license est gratuite pour les sites académiques et pour une utilisation non commerciale.

L'utilisation de ce programme est permise dans les conditions suivantes:

1. L'utilisation de ce programme est restreinte à l'individu, au laboratoire ou à l'organisation auxquels il a été fourni. Cet individu, laboratoire ou organisation peut faire des copies sans limite du programme pour la sauvegarde ou pour faire tourner le programme sur n'importe quel ordinateur de l'institution hôte.
2. Tout autre usage, notamment la mise en réseau, la diffusion à des fins commerciales du logiciel, sous une forme quelconque, est soumise à l'autorisation préalable et expresse de l'Institut de Biologie Structurale.
3. Toute décompilation, ingénierie inverse, modification ou tout acte visant à déterminer l'architecture du programme TENSOR est formellement interdite.
4. Aucun logiciel n'est exempt d'erreurs. Donc, le programme TENSOR est fourni en l'état et les auteurs du programme déclinent toute responsabilité quelle que soit, et n'offrent aucune garantie, expresse ou implicite, quant aux dommages, directs ou indirects, qui pourraient résulter du téléchargement, de l'utilisation du programme et de l'exploitation des résultats qui en seraient issus. Les utilisateurs du programme assumeront donc seuls les aléas, risques et périls liés à cette utilisation.
5. Si des résultats obtenus avec le programme TENSOR sont publiés sur quelque support que ce soit, notamment dans la littérature, le programme devra être référencé ainsi:

**Efficient analysis of Macromolecular Rotational Diffusion from Heteronuclear Relaxation Data**

**Dosset, P.; Hus, J-C; Blackledge, M.; Marion, D. J. *Biomol.NMR.* 16:23-28, January 2000.**

---